

## Comitato scientifico:

Angelo Facchiano – ISA-CNR, Avellino

Paolo Romano – IST, Genova

## Comitato organizzatore:

Angelo Facchiano – ISA-CNR, Avellino

Anna Marabotti – ISA-CNR, Avellino

## Con il supporto tecnico di:

Clemente Meccariello – ISA-CNR, Avellino

Antonio Ottobrino – ISA-CNR, Avellino

È stato concesso l'accreditamento ECM per i dipendenti del SSN (13 crediti) per le figure professionali di Biologo, Chimico, Fisico, Medico e Tecnico di laboratorio.

## Un corso organizzato da:



**Rete Nazionale di Bioinformatica Oncologica**

**Gruppo di Oncoproteomica**

<http://www.rnbio.org>

## Con il patrocinio ed il supporto di:



## Corso avanzato

## Bioinformatica per la Proteomica: basi teoriche ed applicazioni



**Istituto di Scienze dell'Alimentazione  
Consiglio Nazionale delle Ricerche  
Avellino**

**10-13 Novembre 2009**

# PROGRAMMA

## MARTEDI' 10 NOVEMBRE 2009

h. 13.00-14.00 Registrazione dei partecipanti

h. 14.00-14.20 Introduzione al corso

h. 14.20-15.20 Angelo Facchiano (ISA-CNR, Avellino)

*Bioinformatica: concetti generali*

h. 15.20-16.30 Mario Cannataro (Università di Catanzaro)

*Gestione ed analisi di dati proteomici*

**h. 16.30-17.00 Pausa**

h. 17.00-18.00 Mario Cannataro (Università di Catanzaro)

*Gestione ed analisi di dati proteomici (cont.)*

## MERCOLEDI' 11 NOVEMBRE 2009

h. 9.00-11.00 Elia Biganzoli (Ist.Naz. Tumori+Università di Milano)

*Modelli ANOVA nell'analisi dei dati da elettroforesi bidimensionale*

**h. 11.00-11.30 Pausa**

h. 11.30-13.00 Elia Biganzoli (Ist.Naz. Tumori+Università di Milano)

*Modelli ANOVA nell'analisi dei dati da elettroforesi bidimensionale (cont.)*

**h. 13.00-14.20 Pausa**

h. 14.30-16.30 Italia de Feis (IAC-CNR, Napoli)

*Strumenti statistici per il (pre)processing dei dati di spettrometria di massa*

**h. 16.30-17.00 Pausa**

h. 17.00-18.40 Claudia Angelini (IAC-CNR, Napoli)

*Metodi basati sulle wavelets per il pre-processing dei dati di spettrometria di massa*

## GIOVEDI' 12 NOVEMBRE 2009

h. 9.00-11.00 Mario Guarracino (ICAR-CNR, Napoli)

*Predizione delle interazioni tra proteine*

**h. 11.00-11.30 Pausa**

h. 11.30-13.00 Mario Guarracino (ICAR-CNR, Napoli)

*Cytoscape: uno strumento per la visualizzazione ed analisi delle reti biologiche*

**h. 13.00-14.20 Pausa**

h. 14.20-16.20 Anna Marabotti (ISA-CNR, Avellino)

*Bioinformatica per la proteomica strutturale*

**h. 16.20-16.40 Pausa**

h. 16.40-18.40 Paolo Romano (IST, Genova)

*Automazione delle procedure d'analisi dati in ambito distribuito per la proteomica*

## VENERDI' 13 NOVEMBRE 2009

**Sessione congiunta - corso B4P e Convegno BBCC2009.**

*Il programma dettagliato è riportato sulla brochure del convegno.*

h. 9.30-12.50 Casi di studio, problemi e soluzioni proposte da partecipanti e gruppi di ricerca della Campania

h. 12.50-13.00 Chiusura del corso ECM: questionario.

*Nel pomeriggio continua il convegno BBCC2009 con presentazioni di argomento bioinformatico da parte di gruppi di ricerca della Campania. Gli iscritti al corso B4P sono invitati a partecipare.*