

Comitato scientifico:

Angelo Facchiano – ISA-CNR, Avellino

Paolo Romano – IST, Genova

Comitato organizzatore:

Angelo Facchiano – ISA-CNR, Avellino

Anna Marabotti – ISA-CNR, Avellino

Con il supporto tecnico di:

Clemente Meccariello – ISA-CNR, Avellino

Antonio Ottombrino – ISA-CNR, Avellino

È stato concesso l'accreditamento ECM per i dipendenti del SSN (13 crediti) per le figure professionali di Biologo, Chimico, Fisico, Medico e Tecnico di laboratorio.

Un corso organizzato da:



Rete Nazionale di Bioinformatica Oncologica
Gruppo di Oncoproteomica
<http://www.rnbio.org>

Con il patrocinio ed il supporto di:



Corso avanzato

Bioinformatica per la Proteomica: basi teoriche ed applicazioni



Istituto di Scienze dell'Alimentazione
Consiglio Nazionale delle Ricerche
Avellino

10-13 Novembre 2009

PROGRAMMA

MARTEDI' 10 NOVEMBRE 2009

h. 13.00-14.00 Registrazione dei partecipanti

h. 14.00-14.20 Introduzione al corso

h. 14.20-15.20 Angelo Facchiano (ISA-CNR, Avellino)

Bioinformatica: concetti generali

h. 15.20-16.30 Mario Cannataro (Università di Catanzaro)

Gestione ed analisi di dati proteomici

h. 16.30-17.00 Pausa

h. 17.00-18.00 Mario Cannataro (Università di Catanzaro)

Gestione ed analisi di dati proteomici (cont.)

MERCOLEDI' 11 NOVEMBRE 2009

h. 9.00-11.00 Elia Biganzoli (Ist.Naz. Tumori+Università di Milano)

Modelli ANOVA nell'analisi dei dati da elettroforesi bidimensionale

h. 11.00-11.30 Pausa

h. 11.30-13.00 Elia Biganzoli (Ist.Naz. Tumori+Università di Milano)

Modelli ANOVA nell'analisi dei dati da elettroforesi bidimensionale (cont.)

h. 13.00-14.20 Pausa

h. 14.30-16.30 Italia de Feis (IAC-CNR, Napoli)

Strumenti statistici per il (pre)processing dei dati di spettrometria di massa

h. 16.30-17.00 Pausa

h. 17.00-18.40 Claudia Angelini (IAC-CNR, Napoli)

Metodi basati sulle wavelets per il pre-processing dei dati di spettrometria di massa

GIOVEDI' 12 NOVEMBRE 2009

h. 9.00-11.00 Mario Guarracino (ICAR-CNR, Napoli)

Predizione delle interazioni tra proteine

h. 11.00-11.30 Pausa

h. 11.30-13.00 Mario Guarracino (ICAR-CNR, Napoli)

Cytoscape: uno strumento per la visualizzazione ed analisi delle reti biologiche

h. 13.00-14.20 Pausa

h. 14.20-16.20 Anna Marabotti (ISA-CNR, Avellino)

Bioinformatica per la proteomica strutturale

h. 16.20-16.40 Pausa

h. 16.40-18.40 Paolo Romano (IST, Genova)

Automazione delle procedure d'analisi dati in ambito distribuito per la proteomica

VENERDI' 13 NOVEMBRE 2009

Sessione congiunta - corso B4P e Convegno BBCC2009.

Il programma dettagliato è riportato sulla brochure del convegno.

h. 9.30-12.50 Casi di studio, problemi e soluzioni proposte da partecipanti e gruppi di ricerca della Campania

h. 12.50-13.00 Chiusura del corso ECM: questionario.

Nel pomeriggio continua il convegno BBCC2009 con presentazioni di argomento bioinformatico da parte di gruppi di ricerca della Campania. Gli iscritti al corso B4P sono invitati a partecipare.